

Випереджаючу функцію кодон-антикодонного спаровування тРНК можна одержати таким чином. Введемо матрицю $\psi_5 = C^-, U^+, A^-, G^+$ центральних зарядів мРНК відносно лоренц-інваріантного модуля паралельного перенесення нуклеотидів мРНК на амінокислоти генетичного коду P⁻(CCC), F⁺(UUU), K⁺(AAA), G⁺(GGG). Знаки амінокислот встановлюються за протонним зарядом конформного поля: Q(Am) = h(Am)Q_p(Am). Знаки нуклеотидів матриці ψ_5 підбираються таким чином, щоб ядро конгруентності модуля паралельного перенесення нуклеотидів мРНК на амінокислоти дорівнювало половині числа станів генетичного коду $Q_p[\psi_5(P, F, K, G)] = 32$. Тоді рух малої субчастинки рибосоми індукує випромінювання псевдоелектромагнітного далекодіючого поля центральних зарядів мРНК, що призводить до тяжіння тРНК до мРНК. Велика й мала субчастинки рибосоми рухаються уздовж спіралі мРНК повільніше, ніж поширюється інформація про майбутній триплет мРНК.

На рис. 2, 3 показано, як розповсюджується інформація про майбутній триплет мРНК до тРНК і як рухаються субчастинки рибосоми. Суть адаптера тРНК полягає в компенсації коваріантного читання триплетів мРНК.

Нуклеотиди N1N2N3 триплетів мРНК (рис. 2) є нулями функції розповсюдження псевдоелектромагнітного поля, індукованого рухом малої субчастинки рибосоми. Чергування полярності амплітуди хвиль читання відповідає антисиметричному розташуванню радикалів амінокислот у білку.

Нуклеотиди N1N2N3 триплетів мРНК (рис. 3) є нулями функції поширеного неабелевого спірального поля зв'язності великої та малої субчастинок рибосоми. Мала субчастинка рибосоми рухається по середніх нуклеотидах триплетів мРНК (виділено жирною лінією) у верхній напівплощині щодо лінії триплетів мРНК. Велика субчастинка рибосоми здійснює обхід триплета нуклеотідов мРНК за схемою N2 – N1 – N3 – N2. Поле зв'язності великої субчастинки розпадається на два або три підполя зв'язності тільки внутрішніх частинок, які рухаються у верхній і нижній напівплошинах щодо лінії триплетів мРНК. Неабелеве спіральне поле зв'язності тРНК має три компоненти, які відповідають одному, двом і трьом напівперіодам псевдоелектромагнітного поля.

УДК 578.1

ДІАГНОСТИКА ВІРУСУ МАРМУРОВОСТІ ВИНОГРАДУ ЗА ДОПОМОГОЮ ПОЛІМЕРАЗНОЇ ЛАНЦЮГОВОЇ РЕАКЦІЇ

Проведено дослідження клонового та рядового матеріалу винограду різних сортів на наявність вірусу мармуровості за допомогою полімеразної ланцюгової реакції зі зворотною транскрипцією (RT-PCR). У ході дослідження застосовано різні концентрації Mg⁺⁺ (1,3, 1,7 та 2,0 мімоль/л) з метою зменшення неспецифічних продуктів ампіліфікації. Температуру відпалу (T_{an}) змінювали у процесі підбору найкращого режиму ампіліфікації, °C: 52, 58, 60, 62. У ході дослідження встановлено оптимальну T_{an} (62°C) та з'ясовано оптимальну концентрацію Mg⁺⁺ у реакційній суміші (1,3 мімоль/л).

The clonal and regular grapevine material of different cultivars has been tested for the presence of GFkV by polymerase chain reaction with reverse transcription (RT-PCR). Different concentrations of Mg⁺⁺ (1,3 mM, 1,7 mM and 2,0 mM) were applied for decreasing of unspecific amplification products. Annealing temperature (T_{an}) was changed to improve amplification results, °C: 52, 58, 60, 62. The optimal T_{an} was established (62°C). Optimal Mg⁺⁺ concentration in reaction mix (1,3 mM) was found out.

Вступ. Вірус мармуровості винограду (GFkV) широко розповсюджений у всіх виноградарських районах світу. Це латентний ізометричний флоемолімтований вірус, який не передається механічним шляхом, розміром 28–30 нм, з одноланцюговою позитивно зарядженою молекулою олРНК довжиною 7564 пар основ. Філогенетичний аналіз вірусної реплікації та покривного білка показав, що GFkV, можливо, належать до родів *Tumovirus* та *Marafivirus*. Однак геномна організація вірусу, його

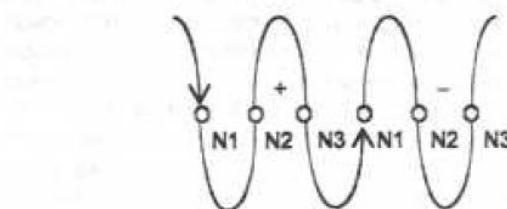


Рис. 2. Хвильове читання триплетів мРНК

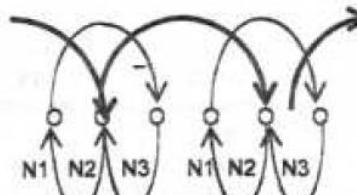


Рис. 3. Коваріантне спіральне читання триплетів мРНК

з рис. 2, 3 випливає, що мала субчастинка рибосоми є нормальним дільником Z_2 неабелевого спірального поля зв'язності амінокислот генетичного коду. Тому числа векторів поля зв'язності амінокислот, тобто числа вираженості генетичного коду, можуть бути 1, 2, 3 і 2, 4, 6.

Висновки. Показано, що велика й мала субчастинки рибосоми безпосередньо визначають числа вираженості генетичного коду. Випереджаюча функція кодон-антикодонного спаровування тРНК пов'язана з рухом малої субчастинки рибосоми, яка індукує випромінювання псевдоелектромагнітного далекодіючого поля центральних зарядів мРНК, що й визначає тяжіння тРНК до мРНК. При коваріантному спіральному читанні триплетів мРНК велика і мала субчастинки рибосоми рухаються повільніше, ніж поширюється хвильова інформація про майбутній триплет мРНК.

1. Сингер М., Берг П. Гены и гены. У 2 т. – М., 1998. – Т1. 2. Щербик В.В., Бучацький Л.П. // Вісн. проблем біології і медицини. – 2002. № 5. – С. 39–58. 3. Щербик В.В., Бучацький Л.П. Квантовая генетика. – К., 2003.

Надійшла до редакторії 29.10.04

I. Д. Жунько, асп., Н. В. Ліманська, асп.,
Б.Н. Мілкус, канд. біол. наук, Л.О. Конуп, канд. біол. наук

біологія, епідеміологія, цитопатологія та молекулярні властивості відрізняються від вказаних властивостей представників цих родів [1–7].

GFkV входить до переліку вірусних інфекцій, на які, згідно з програмою сертифікації ЄС, виноград обов'язково тестується при виробництві садівного матеріалу [8].

Візуальний фітосанітарний контроль не дозволяє розпізнати кущі з латентною інфекцією, і з них заготовлюється лоза для вегетативного размноження рослин.

Багато років діагностика вірусу мармуровості базувалася на щепленні на сорт-індикатор Рупестрис дю Ло. Основна ознака захворювання – посвітління жилок третього порядку та тканин, які до них прилягають. Ріст індикатора пригнічується, листя стає більш хлоротичним, хвилястим [4, 9]. Проте цей метод потребує кількох років дослідження. Необхідно постає діагностика за допомогою сучасних швидких серологічних та молекулярно-генетичних методів аналізу. Метод полімеразної ланцюгової реакції дозволяє в стислі терміни визначити інфікованість кущів винограду вірусом [1, 6, 10, 11].

Метою даної роботи була оптимізація методики проведення ЗТ-ПЛР для діагностики вірусу мармуровості та дослідження деяких сортів винограду на наявність даного фітопатогену.

Матеріали і методи. Досліджували клоновий і рідловий матеріал прищепних сортів винограду господарств півдня України та Республіки Молдова.

Для тестування кущів клонів винограду на наявність GFKV у серпні–вересні відбирали верхівки молодих пагонів з верхнім листям. З настанням холодів виділення вірусу проводили у здерев'янілих пагонах. Зразки транспортували в лабораторію і досліджували в той самий день або зберігали за температури -20°C впродовж кількох місяців. Зразки для проведення ПЛР готували згідно з [12].

Реакційна суміш для проведення зворотної транскрипції й полімеразної ланцюгової реакції (ЗТ-ПЛР) обсягом 25 мкл містила деіонізовану воду, 2,5 мкл 10-кратного ПЛР буфера (500 ммол/л KCl, 100 ммол/л Tris-HCl, pH 9,0), 2,5 мкл сахарози (20 %) і крезолу, 2,5 мкл дезоксинуклеозидтрифосfatів (dNTP) (2 ммол/л), попередньо змішаних з 1,25 мкл діліотрієтолу (ДТТ) (0,1 моль/л), 1,25 мкл кожного з праймерів (10 ммол/л), 1,25 од. Таq-полімерази (5 од./мкл, "АмпліСенс", Росія), 8 од. ревертази (200 од./мкл, "АмпліСенс", Росія). Було випробовано концентрації Mg^{++} 1,3, 1,5 і 2 ммол/л. Використовували RD1 ($5'$ С(CT)CA(AG)CA(CT)AA(AG)GT(ACG)AACGA 3') та RD2 ($5'$ GCGCATGCA(CGT)GT(CG)AG(AG)GGG 3') GFKV праймери [2].

У реакційну суміш вносили по 2 мкл підготовленого зразка.

Як позитивний контроль використовували інфікований вірусом мармуровості матеріал винограду, люб'язно наданий доктором Д. Босція (Університет Барі, Італія). Як негативні контролі використовували деіонізовану воду (для перевірки якості реактивів) та вільний від вірусу рослинний матеріал.

Зворотну транскрипцію проводили в термостаті за 52°C упродовж 30 хв. Ампліфікація включала 35 циклів (94°C – 30 с, 56°C – 45 с, 72°C – 60 с), а час елонгації в останньому циклі сягав 7 хв (А. Ровгані, особисте повідомлення). Температуру відпалу ($T_{\text{ад}}$) змінювали у процесі підбору найкращого режиму ампліфікації, $^{\circ}\text{C}$: 52, 58, 60, 62.

Реакція проходила у програмувальному термостаті "Тепрік" фірми "ДНК-Технологія" (Росія). Електрофорез проводили в 1,5%-ному агарозному гелі. Бромистий етидій для візуалізації продуктів ПЛР входив до складу трис-боратного буфера для електрофорезу ("АмпліСенс", Росія). Гель фотографували за допомогою відеосистеми "Samsung" в ультрафіолетовому світлі (довжина хвилі 312 нм). Для оцінки молекулярної маси ампліфікованих фрагментів використовували маркери 800–200 пар основ ("АмпліСенс", Росія) та маркери фрагменти ДНК фага λ 2100–150.

Результати та їх обговорення. У ході дослідження методику проведення ПЛР для виявлення вірусу мармуровості винограду було оптимізовано.

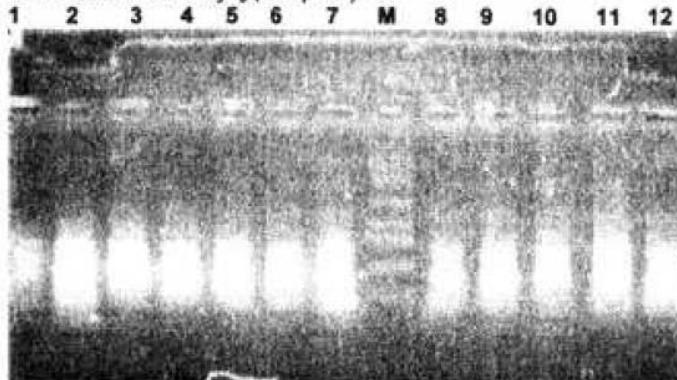
У процесі підбору найкращого режиму ампліфікації з даною парою праймерів температуру відпалу змінювали. Було застосовано кілька $T_{\text{ад}}$, $^{\circ}\text{C}$: 52, 58, 60, 62.

Найкращий результат було досягнуто за температури 62°C . Синтезований за цієї температури фрагмент ДНК відповідав довжині амплікону для даної пари праймерів (386 п.о.), крім того, меншою була кількість неспеціфічних продуктів реакції, ніж за інших температур відпалу.

З метою виключення неспеціфічних продуктів реакції було встановлено оптимальну концентрацію Mg^{++} у реакційній суміші для проведення ПЛР. За концентрації 1,3 ммол/л MgSO_4 і $T_{\text{ад}} = 62^{\circ}\text{C}$ неспеціфічні продукти реакції були відсутніми, а кількість ампліфікованих фрагментів достатньою для чіткої візуалізації в агарозному гелі.

За допомогою оптимізованої методики ПЛР проведено тестування зразків рослинного матеріалу. Виявлено, що вірус мармуровості поширеній на різних прищепних сортах винограду.

Дослідження матеріалу винограду показало, що вірус мармуровості виявляється в насадженнях на території України рідше, ніж на території Молдови, де в деяких випадках визначалася стовідсоткова інфікованість рослин певного клону (див. рис.).



Електрофорез продуктів ЗТ-ПЛР в агарозному гелі:

- 1 – негативний контроль;
- 2–6, 8–12 – позитивні зразки матеріалу винограду, ураженого вірусом мармуровості;
- 7 – позитивний контроль;
- M – маркери молекулярної маси (2100, 1400, 1000, 600, 470, 280, 150)

Подальше вивчення поширення вірусу мармуровості дозволить отримати дані щодо епідеміології збудника на виноградниках півдня України та Молдови, а також дані щодо якості садівного матеріалу, який інтродукується з-за кордону.

Висновки:

1. Оптимізовано методику ЗТ-ПЛР для виявлення вірусу мармуровості винограду, а саме:

– встановлено оптимальну температуру відпалу для праймерів, що застосувались у ЗТ-ПЛР;

– з'ясовано оптимальну концентрацію магнію в реакційній суміші для усунення неспеціфічних продуктів ПЛР.

2. Зразки матеріалу винограду різних сортів, відіbrane на виноградниках півдня України та Молдови, містили збудника вірусу мармуровості винограду.

1. Beaino T. E., Sabanadzovic S., Digiaro M. et al. // Vitis. – 2001. – Vol. 40, № 2. – P. 65–68.
2. Boscia D., Martelli G. P., Savino V., Castellano M. A. // Vitis. – 1991. – Vol. 30. – P. 97–105.
3. Bouilla M., Boscia D., Terlizzi B. et al. // J. Phytopathol. – 1990. – Vol. 129. – P. 151–158.
4. Graft-transmissible diseases of grapevines. Handbook for detection and diagnosis / Ed. by G.P. Martelli. – Rome, 1993.
5. Sabanadzovic N., Saldarelli P., Martelli G.P. // J. Gen. Vir. – 2001. – Vol. 82. – P. 2009–2016.
6. Sabanadzovic S., Abou Ghanem N., Castellano M. A. et al. // Arch. Virol. – 2000. – Vol. 145. – P. 553–5657.
7. Walter B., Martelli G.P. Clonal and sanitary selection of the grapevine // Sanitary selection of the grapevine. Protocols for detection of viruses and virus-like diseases. – Paris, 1997. – P. 43–95.
8. Walter B., Martelli G. P. // Vitis. – 1998. – Vol. 37, № 2. – P. 87–90.
9. Вердеревська Т. Д., Маринеску В. Г. Виразні та мікoplазмальні захворювання плодових культур та винограда. – Кишинів, 1985.
10. Sabanadzovic S., Saldarelli P., Savino V. // Vitis. – 1996. – Vol. 35. – P. 137–140.
11. Schieber O., Seddas A., Belin C., Walter B. // Eur. J. Plant Pathol. – 1997. – Vol. 103. – P. 767–774.
12. Rowhani A., Biardi L., Johnson R. et al. // XIIIth ICVG Meeting: Abstracts (Adelaide, Australia, 12–17 March 2000) – Adelaide, 2000. – P. 148.